***Resource* *Profile*: ObservationResultsBRIPS**

|  |  |
| --- | --- |
| **URL Canônica:** https://ips.saude.gov.br/StructureDefinition/ ObservationResultsBRIPS | **Versão**: 0.0.1 |
| **Ativo desde:** 2023-10-30 | **Nome computável**: ObservationResultsBRIPS |

Este perfil representa os resultados de exames laboratoriais ou estudos no Sumário Internacional do Paciente.

**Escopo/Uso**

Este recurso pode representar o resultado de um teste laboratorial simples, como hematócrito, ou pode agrupar o conjunto de resultados produzidos por um estudo ou painel multi-teste, como um hemograma completo, um teste de função dinâmica, um estudo de amostra de urina. Neste último caso, a observação traz a conclusão geral do estudo e/ou uma interpretação global do produtor do estudo, no elemento comentário; e faz referência aos resultados individuais de um estudo como uma observações de que “tem-membros” de uma hierarquia (são filhos de um grupo de resultados).

Este perfil restringe o recurso Observação para representar um teste de diagnóstico laboratorial in vitro ou painel/estudo. No caso de painel/estudo, os resultados do painel aparecem como sub-observações. Neste caso, esta Observação de nível superior atua como um agrupador de todas as observações pertencentes ao painel ou estudo. A observação de nível superior pode conter uma conclusão no elemento de valor e/ou uma interpretação global por parte do produtor do estudo, no elemento de comentário.

A RNDS utiliza dois perfis baseados no perfil Observation para enviar resultados de exames Laboratoriais de COVIA-19 e Monkeypox: BRDiagnosticoCOVID19-TesteRapido-01.01 e BRDiagnosticoLaboratorioClinico. Ambos perfis são baseados no perfil FHIR R4 Observation. No perfil BRDiagnosticoCOVID19-TesteRapido-01.01 o elemento interpretation foi suprimido.

Os resultados dos exames são informados de forma quantitativa e qualitativa. Para os resultados quantitativos, uma representação quantitativa numérica é utilizada. Já, para os resultados qualitativos, foi utilizada uma tabela proprietária da RNDS chamada BRResultadoQualitativo. Essa tabela especializa os resultados qualitativos por categorias (Detectável, Avidez, Presença, Positivo/Negativo e etc). Foi necessário mapear estes conceitos para o ValueSet do IPS utilizado para descrever o resultado no elemento *interpretation*: ObservationInterpretationCodes (<http://hl7.org/fhir/ValueSet/observation-interpretation>)

Em dois casos o mapa de conceitos entre a RNDS e o ValueSet recomendado pelo Sumário Internacional do Paciente não foi possível de ser estabelecido para descrever o elemento interpretation:  [Tipo de Resultado HISPT](https://simplifier.net/resolve?scope=RedeNacionaldeDadosemSaude@current&filepath=BRTipoResultadoHISPT.xml) e  [Tipo de Resultado AVIDEZ](https://simplifier.net/resolve?scope=RedeNacionaldeDadosemSaude@current&filepath=BRTipoResultadoAVIDEZ.xml). Nestes dois casos não será possível preencher o elemento interpretation.

Observar que a RNDS utiliza para os exames qualitatitvos o mesmo domínio para representar o valor (value) e a interpretação (interpretation).

**Uso indevido**

Este recurso não deve ser utilizado para representar recursos que não sejam relacionados aos resultados de exames.

**Casos de uso**

Os exames de COVID-19 e MonkeyPox cujos resultado forem positivos, ou seja que tiverem no elemento value.valueCodeableConcept os valores conforme a tabela abaixo serão exibidos, independente da data que foram realizados, tendo em vista a importância de conhecer se o paciente já apresentou COVID-19 ou Monkeypox.

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Exames RNDS considerados positivos de acordo com o valor do elemento value.valueCodeableConcept | | |
| valueCodeableConcept.coding.system | valueCodeableConcept.coding.code | display |
| http://www.saude.gov.br/fhir/r4/CodeSystem/BRResultadoQualitativoExame | 2 | Detectável |
| http://www.saude.gov.br/fhir/r4/CodeSystem/BRTipoResultadoAVIDEZ | 2 | Alta Avidez |
| http://www.saude.gov.br/fhir/r4/CodeSystem/BRTipoResultadoDTNT | 1 | Detectável |
| http://www.saude.gov.br/fhir/r4/CodeSystem/BRTipoResultadoHISPT | 1 | Compatível |
| http://www.saude.gov.br/fhir/r4/CodeSystem/BRTipoResultadoPRAU | 1 | Presença |
| <http://www.saude.gov.br/fhir/r4/CodeSystem/BRTipoResultadoPSNG> | 1 | Positivo |
| http://www.saude.gov.br/fhir/r4/CodeSystem/BRTipoResultadoRGNR | 1 | Reagente |
| <http://www.saude.gov.br/fhir/r4/CodeSystem/BRTipoResultadoRSBAC> | 1 | Foram visualizados |
| <http://www.saude.gov.br/fhir/r4/CodeSystem/BRTipoResultadoRSCUL> | 2 | Houve crescimento |

Os demais exames serão exibidos até 12 meses antes da data em que foi solicitada a geração do sumário.

**Identificadores**

​Não se aplica.

**Extensões**

Este perfil não possui extensões.

**Limites e Relacionamentos**

Este recurso faz referência aos seguintes recursos PractitionerBRIPS, PractitionerRolebrIPS, OrganizationBRIPS, CareTeam, PatientbrIPS e RelatedPerson.

**Mapeamento de estrutura** [**BRResultadoExameLaboratorial-2.0**](https://simplifier.net/redenacionaldedadosemsaude/brresultadoexamelaboratorial-duplicate-2) **para** [**ObservationResultsBRIPS**](https://ips-brasil.web.app/StructureDefinition-ObservationResultsBRIPS.html)

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Elemento** | **Card.** | **Descrição** | **Domínio** | **Mapeamento (FHIRPath)** | **Domínio** |
| *extension*.pathogen | 0..1 | Nome do patógeno que está sendo testado. | [BRTerminologiaPatogeno](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/MS/sources/BRTerminologiaPatogeno/) | - | - |
| status | 1..1 | Status do resultado | [ObservationStatus](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/HL7/collections/observation-status/) | [Observation.status](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/HL7/collections/observation-status/) | [ObservationStatus](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/HL7/collections/observation-status/) |
| category | 1..1 | Categoria do resultado | [BRSubgrupoTabelaSUS](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/MS/sources/BRSubgrupoTabelaSUS/) | [Observation.category](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/HL7/sources/ObservationCategoryCodes/) | [ObservationCategoryCodes](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/HL7/sources/ObservationCategoryCodes/) – valor fixo = laboratory |
| code | 1..1 |  | [BRNomeExameLOINC](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/MS/sources/BRNomeExameLOINC/) | Observation.code | [Results Laboratory Observation IPS (LOINC)](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/HL7/collections/results-laboratory-observations-uv-ips/) |
| subject | 1..1 |  |  | Observation.subject |  |
| effectiveDateTime |  | Data e hora da coleta da amostra, conforme ISO 8601. |  | Observation.effectiveDateTime |  |
| issued | 1..1 | Data e hora da liberação, conforme ISO 8601. |  | Observation.issued |  |
| *performer* | *1..\** |  |  | *Observation.performer* |  |
| valueQuantity |  | Valor atribuído ao analito de acordo com o método de análise, de forma qualitativa. RN1: Cada tipo de resultado qualitativo está condicionado ao tipo de diagnóstico laboratorial. |  | Observation.valueQuantity |  |
| valueCodeableConcept |  | Valor atribuído ao analito de acordo com o método de análise, de forma qualitativa. RN1: Cada tipo de resultado qualitativo está condicionado ao tipo de diagnóstico laboratorial. | B[RResultadoQualitativoExame](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/MS/collections/BRResultadoQualitativoExame/) | value.valueCodeableConcept |  |
| interpretation.coding.system | 1..1 |  | [BRResultadoQualitativoExame](https://oclweb2.gointerop.com/" \l "/orgs/MS/collections/BRResultadoQualitativoExame/) |  | <http://hl7.org/fhir/ValueSet/observation-interpretation> |
| interpretation.coding.code | 1..1 | Interpretação qualitativa de um resultado quantitativo. RN3: Cada tipo de interpretação está condicionado ao tipo de diagnóstico laboratorial. | Fazer o translate do elemento interpretation.coding.code para o code do HL7 (<http://hl7.org/fhir/ValueSet/observation-interpretation>) |  | Fazer o translate do elemento interpretation.coding.code para o code do HL7 (<http://hl7.org/fhir/ValueSet/observation-interpretation>) |
| Interpretation.coding.code.display | 0..1 | Não existe na RNDS mas será informado no IPS |  |  | Trazer a description do elemento code no idioma selecionado para geração do sumário |
| note | 0..\* |  |  |  |  |
| text | 1..1 |  |  |  |  |
| method.text | 1..1 | Método analítico utilizado para determinação do resultado do analito. |  | %terminologies.lookup(<http://loinc.org>, Observation.code).parameter.where(name=’property’).part.where(name=’METHOD\_TYP’).valueString |  |
| specimen | 1..1 | Amostra biológica, preparada ou não, que foi submetida ao exame laboratorial. Ex: "soro", "plasma", "sangue". Terminologias externas FHIR v2-0487 e Tipo Amostra GAL. |  | [Observation.specimen](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/HL7/collections/ResultsSpecimenTypeSnomedCtIpsFreeSet/) |  |
| specimen.type.coding.systme | 1..1 |  | [BRTipoAmostra-1.0](https://oclweb2.gointerop.com/#/orgs/MS/collections/BRTipoAmostra-1.0/) | <http://terminology.hl7.org/ValueSet/v2-0487> |  |
| specimen.type.coding.code | 1..1 | O id do BRTipoAmostra-1.0 é o mesmo do ValueSet v2-0487. Foi acrescentada a tradução para EM no ValueSet do MS para poder exibir em EM quando necessário |  | specimen.type.coding.code (IPS) = specimen.type.coding.code (RNDS) |  |
| specimen.type.coding.display | 0..1 | Não é informado na RNDS mas será no IPS |  | Trazer a description de acordo com o idioma selecionado pelo usuário para gera o sumário |  |
| referenceRange.text | 1..1 | Faixa de valores de resultado esperada para determinada população de indivíduos. |  |  |  |